

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局(43) 国際公開日
2005年6月9日 (09.06.2005)

PCT

(10) 国際公開番号
WO 2005/052620 A1(51) 国際特許分類⁷: G01R 33/32, G01N 24/08

(21) 国際出願番号: PCT/JP2004/017626

(22) 国際出願日: 2004年11月26日 (26.11.2004)

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願 2003-400864
2003年11月28日 (28.11.2003) JP(71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 技術
研究組合 生物分子工学研究所 (BIOMOLECULAR
ENGINEERING RESEARCH INSTITUTE) [JP/JP]; 〒
5650874 大阪府吹田市古江台 6-2-3 Osaka (JP).

(72) 発明者; および

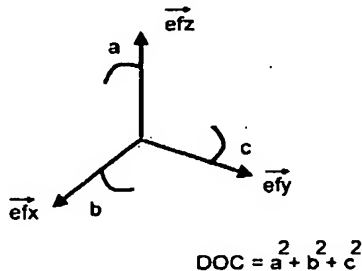
(75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 植 真一 (TATE,

Shin-ichi) [JP/JP]; 〒 5650874 大阪府吹田市古江台
6-2-3 Osaka (JP).(74) 代理人: 山本 秀策, 外 (YAMAMOTO, Shusaku et al.);
〒5406015 大阪府大阪市中央区城見一丁目2番27号
クリスタルタワー 15階 Osaka (JP).(81) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の国内保護が
可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR,
BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM,
DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU,
ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS,
LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA,
NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE,
SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US,
UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.(84) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の広域保護が可
能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, NA, SD,
SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY,
KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AT, BE, BG,

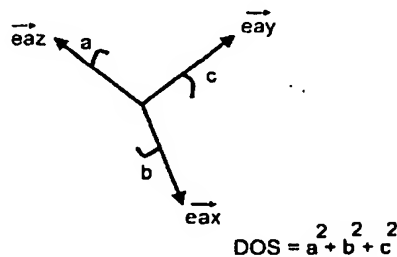
[続葉有])

(54) Title: METHOD OF IDENTIFYING AGONIST AND ANTAGONIST FOR TARGET PROTEIN WITH USE OF NUCLEAR
MAGNETIC RESONANCE TECHNIQUE, AND PROGRAM FOR USE IN THE METHOD(54) 発明の名称: 核磁気共鳴法を用いた、標的タンパク質のアゴニストおよびアンタゴニストの同定方法、および
この方法に用いるプログラム

(a)



(b)

(57) Abstract: A method of easily and speedily determining
what structural change is experienced by a target protein upon
contact and binding of any arbitrary compound to the target
protein; a method of selecting and screening a compound for
use in the method; and a computer program for carrying out
these methods. In one embodiment, a Saupe order matrix element
of domain is obtained from atomic coordinates of domain and an axial-direction variation of NMR signal dependent
upon the orientation angle of molecule in magnetic field,
and the matrix is diagonalized to thereby obtain the orientation
information on the domain. Using of any change of the
orientation information as an indicator for structural change
enables realization of the intended easy and speedy measurement
of structural change of the target protein.(57) 要約: 本発明によって、任意の化合物が標的タン
パク質と接触・結合した際に、その標的タンパク
質にどのような構造変化が生じるのかを簡便かつ迅速
に決定する方法、そのような方法を用いる化合物の選
択・スクリーニング方法、およびそのような方法を実
行するためのコンピュータプログラムが提供される。本発明の1つの実施形態において、分子の磁場中で
の配向角度に依存したNMRシグナルの軸方向の変化
量、ドメインの原子座標から、ドメインのSaupe
オーダーマトリクスエレメントを得て、そのマトリク
スを対角化して、ドメインの配向情報を得る。その配
向情報の変化を構造変化の指標とすることによって、

本発明の簡便かつ迅速な標的タンパク質の構造変化測定が行われる。